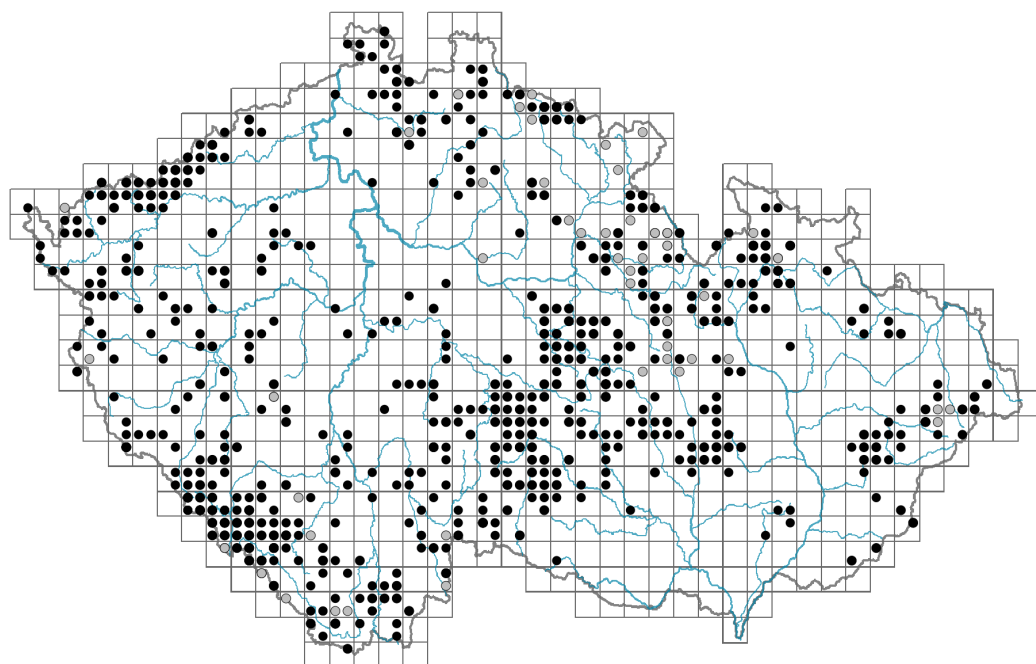


Diphasiastrum complanatum agg.

Rozšíření



Informace k mapě

● revidovaný údaj

● nerevidovaný údaj

V mapě se nezobrazují záznamy bez uvedených souřadnic a záznamy označené jako chybné nebo pochybné.

Habitus a typ růstu

Výška [m]: **0,1-0,4**

Růstová forma: **klonální bylina**

Životní forma: **chamaefyt**

Životní strategie: **CSR - kompetitor/stres tolerátor/ruderál**

List

Přítomnost a přeměna listu: **listy přítomny, nejsou přeměněné**

Uspořádání listů na stonku (fylotaxe): **vstřícné**

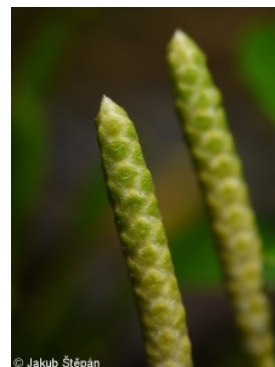
Tvar listu: **jednoduchý - celistvý**

Palisty: **chybějí**

Řapík: **chybí**

Vytrvalost listů: **stálezelený**

Anatomie listů: **skleromorfní**



Květ

Doba kvetení [měsíc]: **červenec-září**

Diklinie: **synecický**

Plod, semeno a šíření

Způsob rozmnožování: **semeny/sporami a vegetativně**

Jednotka šíření (diaspora): **spora**

Strategie šíření: **Lycopodium (převážně anemochorie)**

Myrmekochorie: **nemyrmekochorní (b)**

Podzemní orgány a klonalita

Stonková metamorfóza: **oddenek podobný výběžku**

Zásobní orgán: **oddenek podobný výběžku**

Typ orgánu klonálního růstu: **nadzemní kořenicí stonek**

Volně šířitelné klonální potomstvo: **chybí**

Hlavní kořen: **chybí**

Vytrvalost orgánu klonálního růstu [rok]: **4**

Počet klonálních potomků: **3,5**

Vzdálenost klonálního šíření [m]: **0,07**

Banka pupenů

Počet pupenů na prýt na povrchu půdy bez pupenů na kořenech: **10**

Počet pupenů na prýt v hloubce 0-10 cm bez pupenů na kořenech: **8**

Počet pupenů na prýt v hloubce více než 10 cm bez pupenů na kořenech: **0**

Velikost podzemní banky pupenů bez pupenů na kořenech: **18**

Hloubka podzemní banky pupenů bez pupenů na kořenech [cm]: **3**

Počet pupenů na prýt na povrchu půdy včetně pupenů na kořenech: **10**

Počet pupenů na prýt v hloubce 0-10 cm včetně pupenů na kořenech: **8**

Počet pupenů na prýt v hloubce více než 10 cm včetně pupenů na kořenech: **0**

Velikost podzemní banky pupenů včetně pupenů na kořenech: **18**

Hloubka podzemní banky pupenů včetně pupenů na kořenech [cm]: **3**

Způsob výživy

Parazitismus a mykoheterotrofie: **částečně nebo iniciálně mykoheterotrofní**

Masožravost: **rostlina není masožravá**

Symbiotická fixace dusíku: **bez symbiontů fixujících dusík**

Původ taxonu

Původnost v ČR: **původní**

Ekologické indikační hodnoty

Ellenbergovské indikační hodnoty

Indikační hodnota pro světlo: **5 - rostlina polostinných míst, výjimečně rostoucí na plném světle, ale většinou při více než 10 % rozptýleného záření dopadajícího na volnou plochu**

Indikační hodnota pro teplotu: **4 - přechod mezi hodnotami 3 a 5**

Indikační hodnota pro vlhkost: **5 - indikátor čerstvých půd, vázaný na půdy s průměrnou vlhostí, chybí na vlhkých a často vysychajících půdách**

Indikační hodnota pro reakci: **2 - přechod mezi hodnotami 1 a 3**

Indikační hodnota pro živiny: **2 - přechod mezi hodnotami 1 a 3**

Indikační hodnota pro salinitu: **0 - netolerantní k solím, glykofyt**



Stanoviště a sociologie

Výskyt v biotopech

11 Vřesoviště a křoviny

11A Suchá nížinná až subalpínská vřesoviště: **2 - optimum**

12 Lesy

12L Boreokontinentální bory: **2 - optimum**

12R Acidofilní smrčiny: **1 - vzácný výskyt**

12V Smrkové kultury: **2 - optimum**

12W Borové a modřínové kultury: **2 - optimum**



Rozšíření a hojnost

Floristická zóna: **boreální, severní temperátní, jižní temperátní, submeridionální, meridionální, subtropická, tropická**

Floristická oblast: **Evropa, Východní Amerika, cirkumpolární**

Výškový stupeň v ČR: **pahorkatiny, podhůří, hory, subalpínský stupeň**

Frekvence výskytu v základních polích a kvadrantech síťového mapování: 329

taxon.data.freq_in_quad: 590

Hojnost ve fytocenologických snímcích z ČR

Maximální procentická pokryvnost ve fytocenologických snímcích: **1 %**

Počet biotopů s výskytem taxonu v ČR

Počet úzce vymezených biotopů s výskytem taxonu: **5**

Počet úzce vymezených biotopů, v nichž má taxon optimum: **4**

Počet široce vymezených biotopů s výskytem taxonu: **2**

Počet široce vymezených biotopů, v nichž má taxon optimum: **2**

